PROGRAMME

- Forum de découverte des besoins et autres échanges ouvert
- Jour 1:
- Présentation de la formation/ des formateurs/ des participants
- Introduction à la programmation par ligne de commande (bash)
- Introduction à la programmation en langage de programmation R
- Jour 2:
 - Résumé des compétences acquises en programmation en langage R
 - Table ronde
 - Introduction aux technologies «OMICS»
 - Prétraitement et cartographie des données NGS (short reads)
- Jour 3:
- Prétraitement et cartographie des données NGS (long reads)
- Analyse des données DNAseq pour la génomique évolutive
- Jour 4
 - Génomique des populations avec des méthodes basées sur les graphes
 - Associations génotype-phénotype et identification et annotation de variantes
 - Table ronde
- Jour 5:
 - Analyse des données transcriptomiques avec R et analyse fonctionnelle en R
 - Table ronde
- Forum proposé en post formation ouvert + présentation des comptes rendus

MODALITÉS D'ADMISSION

Prérequis : Aucune connaissance préalable des environnements Linux ou R n'est requise, mais des notions de ces environnements sont recommandées

COÛT DE LA FORMATION

- **Tarif académique :** 300€/personne (prise en charge tutelle)
- **Tarif entreprise:** 1550€/ personne (prise en charge OPCO possible)

FORMATION PORTÉE PAR



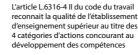




Petit Valrose, Avenue Joseph Vallot, 06100 Nice









Myriam MINVIELLE, Gestion formations courtes



formation-courte@univ-cotedazur.fr



04 89 15 22 09







Formation courte

Analyse bio-informatique des données omiques : approches de programmation sous R



COMPÉTENCES VISÉES

- > Connaître les principes de base de l'algorithmique et de la programmation en langage R
- > Mettre en oeuvre des outils bio-informatiques et des banques de données pour l'analyse des données biologiques issues du séquençage à haut-débit
- > Développer et utiliser les applications appropriées pour répondre aux problématiques posées par le traitement des données biologiques

OBJECTIF DE LA FORMATION

Cette formation a pour but de se perfectionner aux problématiques bio-informatiques liées à l'émergence des nouvelles biotechnologies et à l'exploitation de logiciels de commande en ligne de pointes actuelles dans le domaine du séquençage à haut débit.

ORGANISATION

- **Dates** : du 19/02/2024 au 23/02/2024 inclus + Présentation des comptes-rendus de résultats et forum d'échanges sur les pratiques et problématiques rencontrées sur le terrain.
- **Durée de la formation :** la formation se déroule sur 35 heures.
- **Public visé :** Chercheurs, enseignants-chercheurs, post-doctorants, ingénieurs, doctorants, chefs de projet, professionnels de santé.
- Capacité d'accueil : 10 personnes maximum.*
- Modalités d'évaluation : Formation courte non certifiante. Suivi de la progression tout au long des activités de pratique.
- Responsables de formation et intervenants :
 - Silvia Bottini, directrice opérationnelle du Medical Data Laboratory
 - Lorenzo Tattini, chercheur au sein de l'IRCAN
 - Matteo De Chiara, bioinformaticien à l'IRCAN

*Places limitées, réservez la vôtre dès maintenant