

PROGRAMME

- Forum de découverte des besoins et autres échanges ouvert
- Jour 1 :
 - Présentation de la formation/ des formateurs/ des participants
 - Introduction à la programmation par ligne de commande (bash)
 - Introduction à la programmation en langage de programmation R
- Jour 2 :
 - Résumé des compétences acquises en programmation en langage R
 - Table ronde
 - Introduction aux technologies «OMICS»
 - Prétraitement et cartographie des données NGS (short reads)
- Jour 3 :
 - Prétraitement et cartographie des données NGS (long reads)
 - Analyse des données DNaseq pour la génomique évolutive
- Jour 4 :
 - Génomique des populations avec des méthodes basées sur les graphes
 - Associations génotype-phénotype et identification et annotation de variantes
 - Table ronde
- Jour 5 :
 - Analyse des données transcriptomiques avec R et analyse fonctionnelle en R
 - Table ronde
- Forum proposé en post formation ouvert + présentation des comptes rendus

MODALITÉS D'ADMISSION

- **Prérequis :** Aucune connaissance préalable des environnements Linux ou R n'est requise, mais des notions de ces environnements sont recommandées

COÛT DE LA FORMATION

- **Tarif académique :** 300€/personne (prise en charge tutelle)
- **Tarif entreprise :** 1550€/ personne (prise en charge OPCO possible)

FORMATION PORTÉE PAR



LIFE AND
HEALTH SCIENCES
GRADUATE SCHOOL AND RESEARCH



UNIVERSITÉ
CÔTE D'AZUR
FORMATION CONTINUE



Petit Valrose,
Avenue Joseph Vallot,
06100 Nice

Accessibilité
handicap

Qualiopi
processus certifié

REPUBLIQUE FRANÇAISE

L'article L.6316-4 II du code du travail reconnaît la qualité de l'établissement d'enseignement supérieur au titre des 4 catégories d'actions concourant au développement des compétences

MAJ - oct 2022

Formation courte

Analyse bio-informatique des données omiques : approches de programmation sous R

Contact

Myriam MINVIELLE, Gestion formations courtes

✉ formation-courte@univ-cotedazur.fr

www life.univ-cotedazur.fr

☎ 04 89 15 22 09



LIFE AND
HEALTH SCIENCES
GRADUATE SCHOOL AND RESEARCH



UNIVERSITÉ
CÔTE D'AZUR

life.univ-cotedazur.fr

Formation courte

Analyse bio-informatique des données omiques :

approches de programmation sous R

Les + de la formation

- + Formation sur mesure
- + Formation proposée par des experts en bio-informatique (chercheurs en biologie avec une expérience d'enseignement au sein d'UniCA)
- + Pratique sur ordinateur (fourni)
- + Possibilité de travail sur ses propres jeux de données
- + Accompagnement personnalisé pré et post-formation
- + Création d'un réseau d'entraide entre pairs grâce au forum d'entraide ouvert dès le début de la formation et moments conviviaux : déjeuners inclus

COMPÉTENCES VISÉES

- > Connaître les principes de base de l'algorithmique et de la programmation en langage R
- > Mettre en oeuvre des outils bio-informatiques et des banques de données pour l'analyse des données biologiques issues du séquençage à haut-débit
- > Développer et utiliser les applications appropriées pour répondre aux problématiques posées par le traitement des données biologiques

OBJECTIF DE LA FORMATION

Cette formation a pour but de se perfectionner aux problématiques bio-informatiques liées à l'émergence des nouvelles biotechnologies et à l'exploitation de logiciels de commande en ligne de pointes actuelles dans le domaine du séquençage à haut débit.

ORGANISATION

- > **Dates** : du 19/02/2024 au 23/02/2024 inclus + Présentation des comptes-rendus de résultats et forum d'échanges sur les pratiques et problématiques rencontrées sur le terrain.
- > **Durée de la formation** : la formation se déroule sur 35 heures.
- > **Public visé** : Chercheurs, enseignants-chercheurs, post-doctorants, ingénieurs, doctorants, chefs de projet, professionnels de santé.
- > **Capacité d'accueil** : 10 personnes maximum.*
- > **Modalités d'évaluation** : Formation courte non certifiante. Suivi de la progression tout au long des activités de pratique.
- > **Responsables de formation et intervenants** :
 - Silvia Bottini, directrice opérationnelle du Medical Data Laboratory
 - Lorenzo Tattini, chercheur au sein de l'IRCAN
 - Matteo De Chiara, bioinformaticien à l'IRCAN

*Places limitées, réservez la vôtre dès maintenant