

PROGRAMME

- Forum de découverte des besoins et autres échanges ouvert
- Jour 1 :
 - Introduction aux bases web bio-informatiques (text/data mining)
 - Exploitation et Pratique des Bases web (gènes/ARN/protéines)
- Jour 2 :
 - Exploitation et pratique des Bases web (gènes/ARN/protéines)
 - Outils pour identifier des signatures génétiques fonctionnelles et visualisation de réseaux (GSEA, Enrichissement web bases, Heatmap, Cytoscape)
- Jour 3 :
 - Exploitation et pratique des bases web en oncologie (TGCA, cbiportal, CellMiner, Timer)
 - Retour final
- Forum d'échanges sur les pratiques et problématiques rencontrées sur le terrain

MODALITÉS D'ADMISSION

➤ **Prérequis** : Connaissances élémentaires en informatique

COÛT DE LA FORMATION

➤ **Tarif académique** : 300€/personne (prise en charge tutelle)

➤ **Tarif entreprise** : 1550€/ personne (prise en charge OPCO possible)

FORMATION PORTÉE PAR



LIFE AND HEALTH SCIENCES
GRADUATE SCHOOL AND RESEARCH



UNIVERSITÉ CÔTE D'AZUR
FORMATION CONTINUE



Petit Valrose,
Avenue Joseph Vallot,
06100 Nice



Qualiopi
processus certifié

REPUBLIQUE FRANÇAISE

L'article L.6316-4 II du code du travail reconnaît la qualité de l'établissement d'enseignement supérieur au titre des 4 catégories d'actions concourant au développement des compétences

MAJ - oct 2022

Formation courte

Analyse bio-informatique des données omiques : approches web-based



life.univ-cotedazur.fr

Contact

Myriam MINVIELLE, Gestion formations courtes

✉ formation-courte@univ-cotedazur.fr

www life.univ-cotedazur.fr

☎ 04 89 15 22 09



LIFE AND HEALTH SCIENCES
GRADUATE SCHOOL AND RESEARCH



UNIVERSITÉ CÔTE D'AZUR

Formation courte

Analyse bio-informatique des données omiques : approches web-based

Les de la formation

-  Formation sur mesure
-  Formation proposée par des experts en bio-informatique (chercheurs en biologie avec une expérience d'enseignement au sein d'UniCA)
-  Pratique sur ordinateur (fourni)
-  Possibilité de travail sur ses propres jeux de données
-  Accompagnement personnalisé pré et post-formation
-  Création d'un réseau d'entraide entre pairs grâce au forum d'entraide ouvert dès le début de la formation et moments conviviaux : déjeuners inclus

COMPÉTENCES VISÉES

- > Instaurer une autonomie dans la collecte de données et d'interrogation à large spectre (transcriptomique, protéomique) à l'aide de sites internet (GEO, NCBI, TGCA, CCLE, OPID, STRING, MINT, InTAct) validés et préalablement exploités dans de nombreuses ressources scientifiques
- > Etablir la construction de réseaux pour apporter des informations supplémentaires à l'aide de logiciels ou de sites internet dédiés à ce sujet (Gene Ontology, PANTHER, DAVID, SGEA, Enrich, metascape, cytoscape)
- > Visualiser l'ensemble de ces réseaux afin d'en déterminer des modules fonctionnels et cellulaires

OBJECTIF DE LA FORMATION

Le but de cette formation est de se familiariser et d'intégrer de nouveaux outils dédiés à l'analyse des données biologiques, que ce soient les sites internet (cbioportal, CCLE) ou les logiciels (phantasus, GSEA, Cytoscape) émergent de la bio-informatique et d'établir un aperçu complet de ses méthodes et technologies de pointe actuelles.

ORGANISATION

- > **Dates :** du 14/02/24 au 16/02/24 + forum d'échanges sur les pratiques et problématiques rencontrées sur le terrain
- > **Durée de la formation :** La formation se déroule sur 18h
- > **Public visé :** Chercheurs, enseignants-chercheurs, post-doctorants, ingénieurs, doctorants, chefs de projet, professionnels de santé
- > **Capacité d'accueil :** 12 personnes maximum*
- > **Modalités d'évaluation :** Formation courte non certifiante. Suivi de la progression tout au long des activités de pratique
- > **Intervenants :**
 - Dr Carole Gwizdek, chargée de recherche à l'IPMC
 - Dr Mickaël Ohanna, chargé de recherche à l'INSERM
 - Dr Patrick Brest, chercheur à l'INSERM

*Places limitées,
réservez la vôtre dès
maintenant